

高速AFMを用いたATP合成酵素のダイナミクスと機械特性に関する研究

メタデータ	言語: jpn 出版者: 公開日: 2021-01-25 キーワード (Ja): キーワード (En): 作成者: Uchihashi, Takayuki メールアドレス: 所属:
URL	https://doi.org/10.24517/00060135

This work is licensed under a Creative Commons Attribution-NonCommercial-ShareAlike 3.0 International License.



[◀ Back to previous page](#)

高速AFMを用いたATP合成酵素のダイナミクスと機械特性に関する研究

Publicly

Project Area Innovative nanoscience of supermolecular motor proteins working in biomembranes

All ▼

Project/Area Number 21023010

Research Category Grant-in-Aid for Scientific Research on Priority Areas

Allocation Type Single-year Grants

Review Section Biological Sciences

Research Institution Kanazawa University

Principal Investigator 内橋 貴之 金沢大学, 数物科学系, 准教授 (30326300)

Project Period (FY) 2009 – 2010

Project Status Completed (Fiscal Year 2010)

Budget Amount *help ¥4,400,000 (Direct Cost: ¥4,400,000)

Fiscal Year 2010: ¥2,400,000 (Direct Cost: ¥2,400,000)

Fiscal Year 2009: ¥2,000,000 (Direct Cost: ¥2,000,000)

Keywords ナノ計測 / ナノプローブ / 1分子イメージング

Research Abstract

前年度に高速AFMを用いて $\alpha_3\beta_3$ 複合体でATP加水分解に伴う β サブユニットの構造変化を画像化することに成功した。本年度は、 β サブユニットの構造変化の詳細を調べ協同性の有無を明らかにするための観察を中心に行った。SPMシミュレーターを用いて $\alpha_3\beta_3$ 複合体の結晶構造モデルからAFM画像を再構成した結果、ATP非存在下では $\alpha_3\beta_3$ 複合体リング構造のうち β は α より凹凸が高く観察されることが分かり、実際に観察されたAFM像と良く一致した。一方、AMP-PNP存在下で観察されたAFM像は、一つの β が開状態で残り二つの β が閉状態であることが分かり、3つの β に同時にスクレオチドが結合しないことが示された。また、観察されたAFM像は、ATPアナログ結合時の結晶構造から再構成されたシミュレーション像と良く一致し、開状態の β は閉状態より凹凸が高くなることも分かった。3つの β の中で最も凹凸が高い位置を追跡することで構造変化の協同性の有無を調べたところ、 β の構造変化は反時計回りに一方向に進んでいることが明らかになった。ATP濃度依存性を調べた結果、 β の構造変化の頻度に明瞭なATP濃度依存性がみられ、バレーで計測されたATPase活性のレートに非常によく一致した。ATPase活性はサブユニットがある場合よりも1/100以下の値で、かつバックステップが多くみられるが、以上の結果は γ がなくとも $\alpha_3\beta_3$ 複合体内でATP加水分解の協同性が存在することを示している。 α あるいは β が欠損した場合、構造変化の頻度が下がり、方向性も消失することから、サブユニットの構造変化を介して協同性が発揮されていると考えられる。

Report (2 results)

2010 Annual Research Report

2009 Annual Research Report

Research Products (21 results)

All 2011 2010 2009

All Journal Article Presentation Book

[Journal Article] Structural changes in bacteriorhodopsin in response to alternate illumination observed by high-speed atomic force microscopy 2011 ▼

[Journal Article] Surfactant Aggregate Behavior on a Mica Surface using High-Speed Atomic Force Microscopy 2011 ▼

[Journal Article] Visualization and structural analysis of the bacterial magnetic organelle magnetosome using atomic force microscopy 2010 ▼

[Journal Article] High-speed atomic force microscopy techniques for observing dynamic biomolecular processes 2010 ▼

[Journal Article] High-speed atomic force microscopy shows dynamic molecular processes in photo-activated bacteriorhodopsin 2010 ▼

[Presentation] 高速AFMを用いた膜超分子のダイナミクス観察 2010 ▼

[Presentation] AFMを用いたタンパク質研究の現状と展望について 2010 ▼

[Presentation] Conformational Dynamics of Biological Molecules Captured by High-Speed AFM 2010 ▼

[Presentation] Watching protein dynamics in action with high-speed AFM

2010 ▼

[Presentation] 生体分子の機能動態を可視化する高速AFM技術

2010 ▼

[Presentation] Direct visualization of dynamic processes on biomolecules withhigh-speed AFM

2010 ▼

[Presentation] 高速AFMによるバイオ分子の液中動的観察

2010 ▼

[Presentation] 高速原子間力顕微鏡による生体分子のダイナミクス観察～現状と将来展望～

2009 ▼

[Presentation] 高速AFMイメージング技術で見る生体分子の機能動態

2009 ▼

[Presentation] Direct Visualization of Protein Dynamics using High-Speed AFM

2009 ▼

[Presentation] 高速AFMによる生体分子のナノダイナミクス計測

2009 ▼

[Book] Life at the Nanoscale : Atomic Force Microscopy of Live Cells : High speed atomic force microscopy for the dynamic imaging of protein crystals"

2011 ▼

[Book] Life at the Nanoscale : Atomic Force Microscopy of Live Cells

2010 ▼

[Book] Atomic Force Microscopy : its use in Biomedical Researches

2010 ▼

[Book] 酵素活用ハンドブック

2010 ▼

URL: <https://kaken.nii.ac.jp/grant/KAKENHI-PUBLICLY-21023010/>

Published: 2009-03-31 Modified: 2018-03-28