受理日:2015年7月17日

トピックス

無脊椎動物巨大ヘモグロビンの deoxy 型構造

沼本修孝 東京医科歯科大学難治疾患研究所

中川太郎 長浜バイオ大学

福森義宏 金沢大学理工研究域

三木邦夫 京都大学大学院理学研究科

1. はじめに

動物細胞はエネルギー源として酸素を必要とするが、外界から取り入れた酸素を全身の細胞までくまなく運搬するタンパク質がヘモグロビン(Hb)である. すべての Hb は、150 残基前後のサブユニット(グロビン鎖)の会合体で、そのサブユニットの構造は、N末端から順に A から H までのヘリックスから構成されるグロビンフォールドである. それぞれのグロビン鎖中にはヘムが 1 分子存在しており、酸素はこのヘムの鉄原子に結合(配位)して運搬される.

ヒトを含めた脊椎動物の Hb はα鎖とβ鎖からなるα2β2のホモ四量体である。その研究の歴史は長く、特に四つある酸素結合部位が互いに影響を及ぼしあう、いわゆるアロステリック効果の分子機構について議論がなされてきた。現在のところ、酸素結合型(oxy型)と酸素非結合型(deoxy型)の結晶構造(図1)から明らかになった四次構造変化による説明¹⁾が、一般に広く受け入れられている。

一方で動物のなかでも多数を占める無脊椎動物のHbは、ホモ二量体から、場合によっては百量体をはるかに超える会合体を形成するものまで、非常に多種多様である。図1に、これまで構造決定がなされた主なHbを示す。いずれも、脊椎動物Hbのものとはまったく異なった会合様式を示し、どのような機構でアロステリック効果を実現しているのかに興味がもたれる。しかしながら、oxy型と deoxy 型の双方の結晶構造を決定したうえで詳細な議論がなされている例は、アカガイ由来のホモ二量体Hb²⁾の他はほとんど見あたらない。

筆者らは、無脊椎動物(海産環形動物)のもつ分子 量約40万(24グロビン鎖)の巨大ヘモグロビンの構

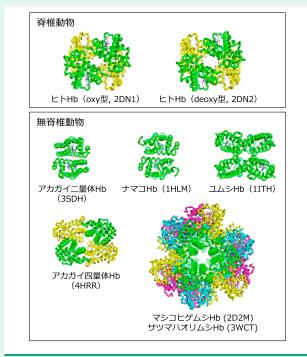


図 1

結晶構造が報告されている脊椎動物および無脊椎動物の Hb. アミノ酸配列の異なるグロビン鎖については色を変えて示している.

造解析に取り組んできた. この過程で, まず oxy 型の構造を決定^{3),4)} していたが, 最近 deoxy 型の構造決定を行うことができた⁵⁾. このような多数のグロビン鎖からなる Hb について, oxy 型と deoxy 型の結晶構造が決定されたのは初めてであり, 脊椎動物とは異なったアロステリック機構の議論ができるようになった.

2. 巨大ヘモグロビンの deoxy 型構造解析の試み

我々が研究対象としている巨大 Hb のほかにも、ミミズやゴカイなども類似の巨大 Hb をもつことが以前

Deoxygenated Structure of Invertebrate Giant Hemoglobin

Nobutaka NUMOTO¹, Taro NAKAGAWA², Yoshihiro FUKUMORI³ and Kunio MIKI⁴

¹Medical Research Institute, Tokyo Medical and Dental University (TMDU)

²Nagahama Institute of Bio-Science and Technology

³College of Science and Engineering, Kanazawa University

⁴Graduate School of Science, Kyoto University

より知られていた. それらの結晶構造解析の取り組み も 1980 年代ごろより行われていたが、その巨大な分 子量ゆえに難航していた. 2000年代なかばになりに わかに状況が変わり、これら巨大 Hb の結晶構造が相 次いで報告(6-8) されるようになった. 筆者らも, まず 2005年にマシコヒゲムシ由来巨大 Hbの oxy 型の結晶 構造を報告した. この巨大 Hb は, 4種類のグロビン 鎖から構成され、これらが6個ずつ会合した24量体 の球状構造($\mathbf{図}$ 1)であった 3 . ほぼ同時期に他のグ ループにより類似の巨大 Hb の結晶構造も報告^{6), 7)} さ れたが、いずれも oxy 型と同一の構造であった. その 後筆者らも oxy 型や酸素が一部解離した状態での構造 をより高分解能で報告^{4),9)}したが、完全な deoxy 型で の構造は決定されないままであった. これは巨大 Hb の酸素親和性が非常に高く, 通常の環境下で試料調製 と結晶化を行った場合 oxy 型が非常に安定であり、酸 素を解離させて deoxy 型を安定的に調製することが難 しかったことが主な原因である.

筆者らは巨大 Hb の deoxy 型結晶を得るべく様々な手法を試す中で、サツマハオリムシ由来巨大 Hb (V2Hb) を用いて、soaking 法により deoxy 型結晶を作製する方法を確立した。 V2Hb の oxy 型結晶をまず調製し、これを PEG と dithionite 濃度を漸進的に高くした溶液に順次 soaking することで、結晶状態を保ったまま deoxy 型へ移行させることが可能であった。ここで PEG は結晶化の沈殿剤と抗凍結剤を兼ねたものであり、 dithionite は様々な Hb で一般的に用いられている還元剤である(酸素を解離させる効果がある)。この方法により、V2Hb の oxy 型、 deoxy 型双方の結晶構造を、それぞれ 2.4、2.9 Å 分解能で決定することに成功した5)。これにより、巨大 Hb のアロステリック機構を議論する構造基盤が初めて得られた。

3. 巨大ヘモグロビンの oxy-deoxy 間構造変化

サツマハオリムシ V2Hb の oxy 型と deoxy 型の構造を比較したところ,まず各々のグロビン鎖で共通の特徴がみられた.すなわち,へムに結合した酸素のすぐ真上に位置している Val 残基が,deoxy 型構造では酸素に向かって大きくせり出しており,立体障害により酸素 結合を妨げていることが明らかになった(図 2a).この Val 残基は E ヘリックスの中ほどに位置し,A ヘリックスの下流に位置するループ領域が隣接している.このループ領域の Tyr(一部のグロビン鎖では Trp)のコンフォメーション変化と,Val のせり出しが強く連動していることがわかった(図 2b).ほぼ同様のコンフォメーション変化の連動が,巨大

Hbを構成する4種類のグロビン鎖すべてで共通して みられた.

さらにグロビン鎖間の構造変化(四次構造変化)に 着目すると、ヘムを向い合わせるように会合している 二つのグロビン鎖間で構造変化の連鎖がみられた (図2c). 巨大Hbは4種のグロビン鎖から構成され るが、それぞれ2種が良く似た二量体を形成してい る. これらはヘムを挟み込むように位置するEとF ヘリックスを、互いに向き合うように会合しているた め、EFダイマーと呼ばれている. このEFダイマーの 接触領域において、一方のグロビン鎖でヘムに酸素が 結合(または解離)すると、そのヘム周辺にコンフォ メーション変化が生じる. すると, これと直接接触し ている、隣のグロビン鎖のFへリックスのコンフォ メーションの変化を促していることがわかった.Fへ リックスはヘムを配位しているため、Fヘリックスの コンフォメーション変化は当然へム周辺のコンフォ メーション変化につながる.このようにして、隣のグ ロビン鎖においても図2aと同様なヘム周辺のコン フォメーション変化が促されるものと考えられた. へ ム周辺でグロビン鎖界面の接触に関与しているアミノ 酸残基は、他の種由来の巨大 Hb の間でも大部分がよ く保存されている. すなわち, このような構造変化の 伝達機構は巨大 Hb に共通していることを強く示唆し

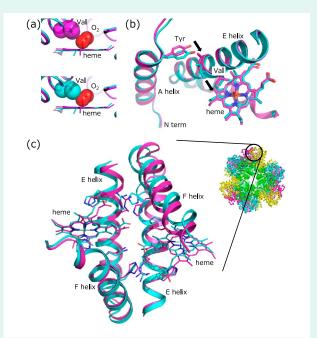


図 2

V2Hb の oxy-deoxy 間構造変化. Oxy 型をマゼンタ, deoxy 型をシアンで示す. (a) 酸素結合部位周辺の重ね合わせ. (b) AB ループ領域と Val の構造変化の連動. (c) 隣り合うグロビン鎖境界面での構造変化.

ている. したがって, この領域が巨大 Hb におけるアロステリック機構の最も重要な部分を担っているものと考えている.

最後に、24量体全体での四次構造変化をみてみると、分子全体の対称構造を崩すことなく互いのグロビン鎖の配向を変化させていた(文献5の Supplementary Movie を参照). 巨大 Hb は分子内に3回対称と2回対称をもつ球状の分子構造をしている. 構造の変化はこれら対称軸付近では小さく、対称軸から離れるにつれ構造変化の度合いが大きくなっていた. このように分子内の対称軸を損なうことなく構造を変化させるため、V2Hb は結晶状態を保ったまま oxy 型から deoxy 型へ移行することができたと考えられる.

4. おわりに

無脊椎動物の巨大 Hb について、初めて deoxy 型構造を決定することができ、oxy 型との比較が議論できるようになった。さらに筆者らの deoxy 型結晶の作成方法を応用すれば、oxy 型と deoxy 型の中間状態の結晶も作成できるものと考えられる。長い Hb の研究の中でも、oxy 型と deoxy 型の双方の結晶構造が決定されている例は数種ほどに過ぎない。さらにその中間状態での構造解析となると、ヒト Hb でようやく昨年報告¹⁰⁾ されたほかにほとんど報告例がない。巨大 Hb のように、多数のグロビン鎖からなる Hb で oxy 型と deoxy 型の間の種々の中間構造を明らかにできれば、Hb のアロステリック機構の理解が一段と進むものと期待される。

謝辞

本研究は、京都大学原子炉実験所の喜田昭子博士、海洋研究開発機構の吉田尊雄博士、丸山正博士、法政大学の今井清博博士(2013年退職)との共同研究である。また本研究の大部分は、沼本については前所属の金沢大学および京都大学で、中川については前所属の金沢大学および法政大学で行われたものである。

ᅕᅘ

- Perutz, M. F. (1970) Nature 228, 726-734. DOI: 10.1038/ 228726a0.
- Royer, W. E. Jr. (1994) J. Mol. Biol. 235, 657-681. DOI: 10.1006/ jmbi.1994.1019.
- 3) Numoto, N. et al. (2005) Proc. Natl. Acad. Sci. USA 102, 14521-

- 14526. DOI: 10.1073/pnas.0501541102.
- Numoto, N. et al. (2008) Biochemistry 47, 11231-11238. DOI: 10.1021/bi8012609.
- Numoto, N. et al. (2014) Acta Crystallogr. D70, 1823-1831. DOI: 10.1107/S1399004714008475.
- Strand, K. et al. (2004) J. Mol. Biol. 344, 119-134. DOI: 10.1016/ j.jmb.2004.08.094.
- Flores, J. F. et al. (2005) Proc. Natl. Acad. Sci. USA 102, 2713-2718. DOI: 10.1073/pnas.0407455102.
- Royer, W. E. Jr. et al. (2006) Structure 14, 1167-1177. DOI: 10.1016/j.str.2006.05.011.
- Numoto, N. et al. (2008) Proteins 73, 113-125. DOI: 10.1002/ prot.22040.
- Shibayama, N. et al. (2014) J. Am. Chem. Soc. 136, 5097-5105.
 DOI: 10.1021/ja500380e.



沼本修孝(ぬもと のぶたか)

東京医科歯科大学難治疾患研究所助教 2004年京都大学大学院理学研究科化学専攻博士 後期課程単位認定取得退学,同年京都大学産学官 連携研究員,05年博士(理学),07年金沢大学 博士研究員,10年京都大学特定助教,12年より 現職

沼本修孝

研究内容:構造生物学

連絡先:〒 113-8510 東京都文京区湯島 1-5-45 E-mail: numoto.str@mri.tmd.ac.jp



中川太郎(なかがわ たろう)

長浜バイオ大学バイオサイエンス学部助手 2004年金沢大学大学院自然科学研究科生命科学 専攻(博士後期課程)修了、博士(理学)、同年 金沢大学理学部博士研究員、08年法政大学マイ クロ・ナノテクノロジー研究センター博士研究 員、11年より現職.

中川太郎

研究内容:機能生物化学

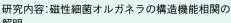
連絡先: 〒526-0829 滋賀県長浜市田村町1266番地 E-mail: t_nakagawa@nagahama-i-bio.ac.jp

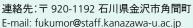


福森義宏(ふくもり よしひろ)

金沢大学理事・副学長

1980 年大阪大学大学院理学研究科生理学専攻修 了. 理学博士. 大阪大学理学部, 東京工業大学理 学部, 同生命理工学部を経て, 97 年金沢大学理 学部教授, 2014 年より現職.







三木邦夫

三木邦夫(みき くにお)

京都大学大学院理学研究科教授 1977年大阪大学大学院工学研究科前期課程修了, 78年大阪大学工学部助手,91年東京工業大学資源化学研究所助教授,94年より現職.

研究内容: タンパク質結晶学,構造生物学 連絡先: 〒 606-8502 京都市左京区北白川追分町

E-mail: miki@kuchem.kyoto-u.ac.jp

トピックス