## 科学研究費助成事業

रास्ट २०५६ २०२२

研究成果報告書

	平成	30	年	6月	27	日現仕
機関番号: 13301						
研究種目: 基盤研究(B) ( 一般 )						
研究期間: 2015 ~ 2017						
課題番号: 15日04360						
研究課題名(和文)高速AFMによる生体膜の形状に依存したタンパク質の離合	集散メ	、カニ	ズムの	D解明		
研究課題名(英文)Study of protein-assemble/disassemble on biologica membrane shape by high-speed AFM	l memb	rane	depen	ding or	the	
研究代表者						
古寺 哲幸 (Kodera, Noriyuki)						
金沢大学・数物科学系・教授						
研究者番号:30584635						

交付決定額(研究期間全体):(直接経費) 12,400,000円

研究成果の概要(和文):生体膜は凹凸形状を持っており、形状に依存した脂質やタンパク質が特異的に離合集 散することで、生命現象の素過程が実現されている。本研究では、この素過程を高速AFMでリアルタイム観察す るために、集積イオンビーム(FIB)法やナノ粒子インプリンティングを用いて、ガラス基板上やPDMS上にサブ マイクロメートルオーダーの細孔を持った新規のAFM観察基板を開発した。開発した基板を応用して、膜形状に 依存した脂質分子の拡散運動や膜結合タンパク質の集合様式、サスペンドした天然膜を観察することに成功し た。

研究成果の概要(英文):Biological membranes have uneven physical shapes. By recognizing on the physical shapes, lipids and proteins specifically assemble and disassemble, and realize their sophisticated functions. In this research project, to realize the real-time observations of these biological processes by high-speed AFM, new AFM substrates with sub-micrometer sized holes have been developed on a glass and PDMS surfaces using Focused Ion Beam (FIB) lithography and nanosphere imprinting. Using the AFM substrates developed here, some phenomena and objects depending on the physical shapes of membrane, diffusion of lipid molecules, assembling of a membrane protein as well as a suspended native membrane, were directly visualized.

研究分野:生物物理学

キーワード: 一分子イメージング 高速AFM 生体膜 膜タンパク質 生体分子

#### 1.研究開始当初の背景

細胞膜は、細胞内外の境界を決めているだけでなく、多くの生命現象の反応場となっていたり、特定の秩序構造を細胞内外の部位依存的に形成したりする足場となっており、生命現象において重要な役割も果たしている。しかしながら、そこで起こるタンパク質分子などの離合集散過程を、それらの"構造"と"動き"を高い空間分解能と時間分解能で同時に観察できる実験手法はこれまで存在していなかった。

#### 2.研究の目的

細胞膜の形状をサブマイクロメートルオ ーダーで変形させることができる新たな in vitro 実験系を開発し、そこで起こるタンパ ク質分子などの生体分子が離合集散する過 程を、研究代表者が開発してきた世界最高性 能の高速原子間力顕微鏡(高速 AFM)を用 いて直接観察することによって、膜形状と連 携したタンパク質分子などの生体分子の結 合解離のメカニズムを明らかにすることを 目的とする。

#### 3.研究の方法

(1) サプマイクロメートルの細孔を持った **基板の開発**…集積イオンビーム装置(FIB) を用いて、AFM 観察で用いる基板表面(平滑 なガラスもしくはシリコン) にサブマイクロ メートルオーダーの細孔を形成した。また、 形状のそろったポリスチレンビーズを基板 表面に敷き詰め、それを鋳型に細穴を形成す るナノインプリントリソグラフィーの手法 を用いて、生体適合性の熱硬化樹脂であるポ リジメチルシロキサン (PDMS) 上に細孔を作 成した。細穴の直径や深さは、敷き詰めるビ ーズの大きさや、PDMS の効果条件によって調 整した。作成した基板表面を生体分子の AFM 観察に適するための清浄化の手法を確立し、 基板表面上に生体膜や人工脂質二重膜を貼 り、AFM 観察を行った。

(2) 簡易磁気ビンセットの開発…簡易的な 磁気ピンセットを開発することで、上記で実 現した細孔内にサブマイクロメートルサイ ズの磁気ビーズを封入し、磁力を及ぼすこと で脂質膜を変形させることを試みた。磁気ピ ンセットは、数十µm オーダーに加工したガ ラスキャピラリーの先に磁石を固定し、ガラ スキャピラリーをマニュピュレーターで精 密に動かすということで実現した。磁石は、 AFM 観察のためのカンチレバーの変位検出 用のレーザー光の光路を遮えぎらないよう に、小さなスペースで磁力を及ぼせるネオジ ム磁石の小片を用いた。粗動のマニュピュレ ーターは購入し、微動用のマニュピュレータ ーは、高速 AFM 用のスキャナーの開発で培っ た技術を応用して自作した。

#### 4.研究成果

(1) サブマイクロメートルの細孔を持った AFM 基板…集積イオンビーム装置(FIB)を用 いて、ガラスステージ上にサブマイクロメー トルオーダーの凹凸形状を作成できるよう になった(図1)。FIB で加工する領域は 100 ×100 µm<sup>2</sup> 程度の領域に限られるので、AFM の走査範囲(3×3 µm<sup>2</sup>程度)で加工域を探し 出すのは容易でない。そこで、FIB で加工し た領域を光学顕微鏡像からマッチングさせ、 簡便に加工域を観察できるような手法を確 立した。また、タンパク質程度の凹凸を高い コントラストで可視化するためには、作成し た基板表面がナノメートルオーダーで清浄 でなければならない。これに関わる観察表面 の清浄化の手法も確立した。



図1 FIB によって作成したサプマイクロメートルオーダ ーの細孔を持った観察基板のAFM像、様々な凹凸形 状を基板表面を清浄に保ったまま観察することができ るようになった。

FIB 法を用いた凹凸基板の作成は簡便であ るが、FIB は高価な装置であるし、広い範囲 に加工を施すのには多くの時間を要する。 (3)で示すように、FIB法で作成した基板を 用いていくらかの応用実験に成功したが、今 後、日常的この観察基板を用いて AFM 実験す るのはコスト面で現実的ではない。そこで、 安価で安全に広範囲にサブマイクロメート ルオーダーの凹凸形状を得るために、ナノイ ンプリントリソグラフィーによる手法の確 立を進めた。鋳型として、形状のそろったポ リスチレンビーズを用い、その形状を PDMS 上に写し取った。PDMS 上にビーズを残したま ま使用すれば凸基板が、PDMS 上からビーズを 取り除くことによって凹基板を得ることが できるようなった(特願 2016-232100; Uchihashi et al., Methods Mol. Biol. in press)。凹凸のサイズは用いるビーズによっ て可変であり、50 nm~1000 nmの凹凸形状を 実現している (図2A, B)。また、PDMS は樹脂 なのでヤング率が低く、高速 AFM の基板に用 いるとZ方向の走査速度の低下が起きていた が、基板として用いる PDMS の厚さや、硬化 条件を検討することで、従来通りのZの走査 特性を維持することに成功した。

(2) **筒易磁気ビンセット**....粗動マニピュレ ーターと自作の微動用マニピュレーターを 組み合わせることで簡易磁気ピンセットを 作成した。ところが、磁気ビーズが基板表面 に吸着する力が非常に強く、作成した磁気ピ ンセットによる磁力では吸着したビーズを 持ち上げたり、その位置をコントロールした りすることはできないことが判明した。そこ で、ガラスキャピラリーで直接的に PDMS 基 板やビーズに力を与える手法をとることに した。マニピュレーターに関わる機械部の見 直しと、電気回路を開発することで、基板上 の狙った部位をマニピュレートできるよう になってきている。しかし、当初計画してい た脂質膜の形状変化を誘起させるまでには 今のところ至っていない。重要な課題である ので、今後も継続的に手法の研究開発を進め ていく。



図 2 サブマイクロメートルオーダーの細孔を持った PDMS 基板の AFM 後、100 nm のビーズを用いて作成 した凸面基板(A)と凹面基板(B)。(C)凹面を持った 基板に紫膜を貼り、穴をシールすることに成功した。 黒色と白抜きの矢尻は、それぞれ紫膜と PDMS 表面 を表す。挿入図は紫膜表面上の拡大図でバクテリオ ロドプシンが観察されていることがわかる。AFM で力 をかけることで紫膜を破壊することで(2.5 s)、膜直下 にあった細孔をあらわにした(21.0 s)。

(3) **バイオ応用研究**…開発したサブマイク ロメートルオーダーの凹凸形状を持った AFM 基板を用いてバイオ応用研究を進めた。

アネキシン V は Ca<sup>2+</sup>存在下で負電荷脂質 PS に対して強い親和性を持つ。アポトーシスに よって PS が細胞膜の内から外へ移動するこ とが知られているが、外に移動した PS が脂 質分解酵素によって分解されることを阻害 していると考えられている。マイカ表面のよ うにフラットな表面に PS を含んだ脂質膜で アネキシン V を観察すると、p6 対称性の2次 元結晶を作ることが知られていた。ガラス基 板上に作成した凹凸基板上で同様の実験を 行うと、アネキシンは3 量体構造で孤立して



図3 平面基板(左)と凹凸基板(右)に貼られた脂質 膜上で観察されるアネキシン Vの構造。平面基板上 ではp6対称性の2次元結晶が観察されるが、凹凸基 板上では整列した構造はみられない。赤丸はアネキ シン Vのトライマー体を示す。

おり、それ以上の高次な構造体をとらないこ とが判明した(**図3**)。このことから、凹凸を 持った細胞表面では2次元結晶は見られない ことが示唆される。現在、どのくらいの膜曲 率で2次元結晶が形成できなくなるのかなど の考察を進めている。

また、PDMS 上に作成した凹凸基板上に貼ら れた人工脂質膜において、脂質膜の曲率に応 じて脂質分子の拡散運動の速度が変化する ことを見出すことに成功した。脂質膜中にへ ッドグループがビオチン化された脂質分子 を添加しておいて、その脂質分子の振舞いを アビジン分子を介してモニターした。正の曲 率の部分では脂質分子の動きが速くなり、負 の曲率の部分では遅くなった(豊田ら、日本 生物物理学会にて発表)。また、凹基板上で は、高度好塩菌由来の天然膜構造体である紫 膜を貼ることに成功した(図2C)。 蛍光試薬 などを用いて、細孔が細胞膜でシールされて いるかを試験しなければならないが、イオン チャンネルなどの膜輸送体の機能と構造の 相関をナノメートルレベルで直接観察でき ることにつながる成果を得た。

また、作成した凹凸形状の基板は、膜を変 形できるだけでなく、線維状の生体分子をサ スペンドさせたり、繊維状の分子に変形を誘 起する目的にも有用である。実際に、アクチ ン線維をサスペンドさせたり、変形を誘起さ せることで螺旋ピッチが増減することを誘起 させることに成功した(後藤ら、日本生物物 出すことに成功した(後藤ら、日本生物物 スペンドさせ、そこに結合するダイナミン-アンフィ ファイジン液合体の可視化にも成功 した。GTP添加によって、ダイナミン-アンフィ ィファイジンが集合体形成し、脂質チューブ が歪んでいる部位に、ダイナミン-アンフィ ファイジン複合体が滞在しやすいことを見 出してきている。

さらに、本研究課題を進めることによって 得られた脂質膜のノウハウを活かして、いく つかの生体分子系において AFM 観察実験に成 功した。たとえば、近年ゲノム編集で注目さ れている CRISPR-Cas9 が DNA 上に結合する過 程を直接可視化することに成功した。Cas9単 体では DNA 上を非特異的にスラディングして いたが、ガイド鎖 RNA との複合体は DNA 上を ミリセカンドオーダーの結合解離を繰り返 しながら、ターゲット部位を特異的に見つけ 出していることを直視した (Shibata & Nishimasu *et al., Nat. Commun.* 2017)。ま た、バクテリアベん毛の輸送体装置の構成要 素である FIhA の細胞質ドメイン (FIhAc)を 脂質膜上で観察しし、FIhA。が9量体リング構 造をとっていることを直視し、さらにその形 成メカニズムを解明することに成功した (Terahara & Inoue et al., Sci. Adv. in press ).

本研究で開発されたサブマイクロメート ルオーダーの凹凸形状を持ったAFM 観察基板 をさらに高度化させ、応用研究を進めていく ことで、細胞膜表面で起こるタンパク質分子 などの離合集散のメカニズムや、それに伴う タンパク質の機能変調のメカニズムの理解 が深まることが期待される。

### 5.主な発表論文等

(研究代表者、研究分担者及び連携研究者に は下線)

# 〔雑誌論文〕(計9件)

- Uchihashi, T., Watanabe, H., <u>Kodera, N.</u> (in press). Optimum substrates for imaging biological molecules with high-speed atomic force microscopy. *Method. Mol. Biol.* 430 (査読有)
- [2] Terahara, N., Inoue, Y., <u>Kodera, N.,</u> Morimoto, VY., Uchihashi, T., Imada, K., Ando, T., Namba, K., and Minamino, T. (in press). Insight into structural remodeling of the FlhA ring responsible for bacterial flagellar type III protein export. *Sci. Adv.* (査読有)
- [3] Haruyama, T., Uchihashi, T., Yamada, Y., Kodera, N., Ando, T., and Konno, H. (2018). Negatively Charged Lipids Are Essential for Functional and Structural Switch of Human 2-Cys Peroxiredoxin II. J. Mol. Biol. 430, 602-610. (査読有) DOI: 10.1016/j.jmb.2017.12.020
- [4] Terahara, N., <u>Kodera, N.</u>, Uchihashi, T., Ando, T., Namba, K., and Minamino, T. (2017). Na<sup>+</sup>-induced structural transition of MotPS for stator assembly of the *Bacillus* flagellar motor. *Sci. Adv.* 3, eaao4119. (査 読有)

DOI: 10.1126/sciadv.aao4119

- [5] Shibata, M., Nishimasu, H., <u>Kodera, N.,</u> Hirano, S., Ando, T., Uchihashi, T., and Nureki, O. (2017). Real-space and real-time dynamics of CRISPR-Cas9 visualized by high-speed atomic force microscopy. *Nat. Commu.* 8, 1430. (查読有) DOI: 10.1038/s41467-017-01466-8
- [6] Keya, J.J., Inoue, D., Suzuki, Y., Kozai, T., Ishikuro, D., <u>Kodera, N.</u>, Uchihashi, T., Kabir, A.M.R., Endo, M., Sada, K., and Kakugo, A. (2017). High-Resolution Imaging of a Single Gliding Protofilament of Tubulins by HS-AFM. *Sci. Rep.* 7, 6166. (査読有)

DOI: 10.1038/s41598-017-06249-1

[7] Mohamed, M.S., Kobayashi, A., Taoka, A., Watanabe-Nakayama, T., Kikuchi, Y., Hazawa, M., Minamoto, T., Fukumori, Y., <u>Kodera, N.,</u> Uchihashi, T., Ando, T., and Wong, R.W. (2017). High-Speed Atomic Force Microscopy Reveals Loss of Nuclear Pore Resilience as a Dying Code in Colorectal Cancer Cells. *ACS nano* 11, 5567-5578. (查読有) DOI: 10.1021/acsnano.7b00906

[8] Ngo, K.X., Umeki, N., Kijima, S.T., Kodera, N., Ueno, H., Furutani-Umezu, N., Nakajima, J., Noguchi, T.Q., Nagasaki, A., Tokuraku, K., and Uyeda T.Q.P. (2016). Allosteric regulation by cooperative conformational changes of actin filaments drives mutually exclusive binding with cofilin and myosin. Sci. Rep. 6, 35449. (査 読有)

DOI: 10.1038/srep35449

- [9] Watanabe-Nakayama, T., Itami, M., Kodera, <u>N.</u>, Ando, T., and Konno, H. (2016). High-speed atomic force microscopy reveals strongly polarized movement of clostridial collagenase along collagen fibrils. *Sci. Rep.* 6, 28975. (查読有) DOI: 10.1038/srep28975
- [10] Davies, T., <u>Kodera, N.,</u> Kaminski Schierle, G.S., Rees, E., Erdelyi, M., Kaminski, C.F., Ando, T., and Mishima, M. (2015). CYK4 Promotes Antiparallel Microtubule Bundling by Optimizing MKLP1 Neck Conformation. *PLoS Biol.* 13, e1002121. (査読有) DOI: 10.1371/journal.pbio.1002121

# 〔学会発表〕(計 60 件) (国際会議招待議演)

- H. Konno, T. Haruyama, T. Uchihashi, Y. Yamada, <u>N. Kodera</u>, T. Ando, Annual Biotechnology Congress 2017 年 8 月 17 日 -18 日, Tronto, Canada.
- [2] T. Ando, T. Uchihashi, <u>N. Kodera</u>, D. Yamamoto, XVIII Linz Winter Workshop 2017年1月29日~2月1日, Linz, Austria.
- [3] T. Uchihashi, <u>N. Kodera</u>, T. Ando, Gordon Research Conference (Single Molecule Approaches to Biology) 2016年7月3日~
  7月8日, The Chinese University of Hong Kong, China.
- [4] T. Ando, <u>N. Kodera,</u> T. Uchihashi, S. Watanabe, T. Haruyama, H. Konno, ISPM 2016 2016 年 6 月 12 日~6 月 15 日, Grindelwald, Switzerland.
- [5] <u>N. Kodera,</u> T. Uchihashi, T. Ando, Nano In Bio 2016 2016 年 5 月 31 日~6 月 5 日, Guadeloupe, France.
- [6] T. Ando, <u>N. Kodera</u>, T. Uchihashi, 6th Multifrequency AFM Conference 2016 年 3 月 30 日~4 月 1 日, Madrid, Spain.
- [7] T. Ando, <u>N. Kodera</u>, The 2016 Biophysical Society Annual Meeting 2016年2月27日 ~3月2日, Los Angeles, CA, USA.

# (国内会議招待講演)

- [8] <u>古寺哲幸</u>,第 31 回分子シミュレーション討論会 2017 年 11 月 29-12 月 1 日,金 沢商工会議所.
- [9] 古寺哲幸, 第 1271 回ウイルス・再生医科

学研究所セミナー 2017年10月3日,京 都大学.

- [10] T. Uchihashi, M. Shibata, H. Nishimasu, <u>N. Kodera</u>, S. Hirano, T. Ando, O. Nureki, 第 55回日本生物物理学会年会 2017年9月 19日-21日, 熊本大学.
- [11] <u>N. Kodera,</u> D. Noshiro, S. Dora, T. Ando, 第 55 回日本生物物理学会年会 2017 年 9 月 19 日-21 日, 熊本大学.
- [12] 田中耕三,池田真教,藤田拡樹,**古寺哲** <u>年</u>,安藤敏夫,家村顕自,永井正義,第
   17回日本蛋白質科学会年会 2017年6月
   20日-22日,仙台国際センター.
- [13] **古寺哲幸**, 安藤敏夫, 平成 29 年金沢大学 十全医学会学術集会 2017 年 6 月 20 日, 金沢大学、医学部.
- [14] T. Q. P. Uyeda, K. X. Ngo, T. Q. P. Noguchi,
  A. Nagasaki, <u>N. Kodera</u>, K. Tokuraku, 第
  54 回日本生物物理学会年会 2016 年 11
  月 25 日-11 月 27 日, つくば国際会議場.
- [15] M. Shibata, <u>N. Kodera</u>, T. Uchihashi, T. Ando, 第 54 回日本生物物理学会年会 2016年11月25日-11月27日, つくば国 際会議場.
- [16] 古寺哲幸,内橋貴之,安藤敏夫,第77回応用物理学会秋季学術講演会2016年9月13日-9月16日,朱鷺メッセ、新潟.
- [17] **古寺哲幸**, PDIS 測定技術交流会 2016年 9月1日, ホテルウェルシーズン浜名湖.
- [18] 古寺哲幸,第6回神経科学と構造生物学の融合研究会2015年11月26日~11月27日、岡崎カンファレンスセンター.
- [19] **古寺哲幸**, 研究会「理論と実験」2015 2015年10月8日~10月10日, 広島大学 理学部.
- [20] 上田太郎, 古寺哲幸, 徳楽清孝, 第 53回 日本生物物理学会年会 2015 年 9 月 13 日~9月 15日, 金沢大学・角間キャンパ ス.
- [21] **古寺哲幸**,内橋貴之,安藤敏夫,第53回日本生物物理学会年会2015年9月13日~9月15日,金沢大学・角間キャンパス.
- [22] 上田太郎, **古寺哲幸**, 徳楽清孝, 第 67 回 日本細胞生物学会大会 2015 年 6 月 30 日~7 月 2 日, タワーホール船堀.
- [23] 古寺哲幸, 第 5 回分子モーター討論会 2015年6月13日~6月14日,東京大学・ 駒場キャンパス.
- [24] **古寺哲幸**,理研シンポジウム「細胞シス テムの動態と論理 VII」 2015 年 4 月 2 日~4 月 3 日,理化学研究所・和光.

## (一般発表)

- [25] K. Kobayashi, N. Kodera, Y. O. Tahara, T. Toyonaga, T. Kasai, T. Ando, M. Miyata, Joint Congress of 7th AOM, 45th JSM 2018 年 5 月 18 日-20 日,国立感染症研究所.
- [26] T. Toyonaga, T. Kato, A. Kawamoto, <u>N.</u> <u>Kodera,</u> T. Ando, K. Namba, M. Miyata,

第 91 回日本細菌学会総会 2018 年 3 月 27 日-29 日, 福岡国際会議場.

- [27] K. Kobayashi, <u>N. Kodera,</u> Y. O. Tahara, T. Toyonaga, T. Kasai, T. Ando, M. Miyata, 第 91 回日本細菌学会総会 2018 年 3 月 27 日-29 日, 福岡国際会議場.
- [28] T. Toyoda, A. Goto, A. Sumino, M. Shibata, <u>N. Kodera</u>, 第 55 回日本生物物理学会年 会 2017 年 9 月 19 日-21 日, 熊本大学.
- [29] N. Terahara, N. Kodera, T. Uchihashi, T. Ando, K. Namba, T. Minamino, 第 55 回日本生物物理学会年会 2017 年 9 月 19 日 -21 日, 熊本大学.
- [30] D. Noshiro, <u>N. Kodera</u>, T. Ando, 第 55 回 日本生物物理学会年会 2017 年 9 月 19 日-21 日, 熊本大学.
- [31] K. X. Ngo, T. Q. Uyeda, <u>N. Kodera</u>, 第 55
   回日本生物物理学会年会 2017年9月19
   日-21日, 熊本大学.
- [32] T. Narita, M. Ikeda, K. Tanaka, N. Kodera, 第 55 回日本生物物理学会年会 2017年9 月 19 日-21 日, 熊本大学.
- [33] A. Goto, M. Shibata, A. Sumino, <u>N. Kodera,</u> 第 55 回日本生物物理学会年会 2017 年 9 月 19 日-21 日, 熊本大学.
- [34] T. Toyonaga, T. Kato, A. Kawamoto, <u>N.</u> <u>Kodera</u>, T. Ando, K. Namba, M. Miyata, 第 90 回日本細菌学会総会 2017 年 3 月 19 日-21 日, 仙台国際センター.
- [35] <u>N. Kodera,</u> JST-Bay Area Structural Biology Workshop 2017 年 1 月 23 日, Stanford Univ. USA.
- [36] 有山弘高, **古寺哲幸**, 安藤敏夫, 第 54 回 日本生物物理学会年会 2016 年 11 月 25 日~11 月 27 日, つくば国際会議場.
- [37] 豊田貴大,山中信之介,後藤朱音,渡辺 大輝,祥瑞俊介,柴田幹大,古寺哲幸, 内橋貴之,第 54 回日本生物物理学会年 会 2016年11月25日~11月27日,つく ば国際会議場.
- [38] 豊永拓真,田原悠平,古寺哲幸,浜口祐, 安藤敏夫,宮田真人,第54回日本生物物 理学会年会 2016年11月25日~11月27 日.
- [39] 米田博紀, 矢野晃一, 古寺哲幸, 八木健 太, 仁木宏典, 安藤敏夫, 第 54 回日本生 物物理学会年会 2016 年 11 月 25 日~11 月 27 日, つくば国際会議場.
- [40] 平川利佳,上野寛朗, 古寺哲幸,上田太郎,徳楽清孝,第54回日本生物物理学会年会2016年11月25日~11月27日,つくば国際会議場。
- [41] 能代大輔, **古寺哲幸**, 安藤敏夫, 第54回 日本生物物理学会年会2016年11月25 日~11月27日, つくば国際会議場.
- [42]後藤朱音、山中信之介、柴田幹大、 **哲幸**、内橋貴之、第54回日本生物物理学 会年会2016年11月25日~11月27日、 つくば国際会議場。
- [43] K. X. Ngo, N. Kodera, T. Ando, T. Q. P.

Uyeda, 第 54 回日本生物物理学会年会 2016年11月25日~11月27日, つくば 国際会議場.

- [44] Y. Hayawaka, K. Hirose, M. D. Yamada, K. X. Ngo, <u>N. Kodera</u>, M. Takaine, K. Nakano, O. Numata, T. Q. P. Uyeda, 第 54 回日本生物物理学会年会 2016 年 11 月 25 日 ~ 11 月 27 日, つくば国際会議場.
- [45] T. Toyonaga, Y. O. Tahara, N. Kodera, T. Hamaguchi, T. Ando, M. Miyata, 日本マイ コプラズマ学会 第 43 回学術集会 2016 年 6 月 24 日-25 日,長崎県医師会館.
- [46] 豊永拓真,田原悠平,古寺哲室,安藤敏 夫,宮田真人,第89回日本細菌学会総会 2016年3月23日-25日,大阪国際交流セ ンター.
- [47] H. Yoneda, K. Yano, <u>N. Kodera</u>, K. Yagi, H. Niki, T. Ando, 第 53 回日本生物物理学会 年会 2015年9月13日~9月15日, 金沢 大学・角間キャンパス.
- [48] S. Sano, <u>N. Kodera</u>, D. Safer, H. L. Sweeney, T. Ando, 第 53 回日本生物物理 学会年会 2015 年 9 月 13 日~9 月 15 日, 金沢大学・角間キャンパス.
- [49] D. Noshiro, <u>N. Kodera</u>, T. Ando, 第 53 回
   日本生物物理学会年会 2015 年 9 月 13
   日~9月 15 日, 金沢大学・角間キャンパス.
- [50] K. Ngo, <u>N. Kodera</u>, T. Uyeda, 第 53 回日 本生物物理学会年会 2015年9月13日~ 9月15日,金沢大学・角間キャンパス.
- [51] H. Ariyama, <u>N. Kodera</u>, T. Ando, 第 53回 日本生物物理学会年会 2015 年 9 月 13 日~9月 15 日, 金沢大学・角間キャンパ ス.

## 〔図書〕(計4件)

- [1] **古寺哲幸**, 柴田幹大 (2017). 高速原子間 力顕微鏡で観察したミオシン、バクテリ オロドプシンの1分子動態. **週刊 医学** のあゆみ (医歯薬出版), 262, 475-482.
- [2] **古寺哲幸** (2017). 高速 AFM による動作 中の生体分子マシンのビデオ撮影. *CSJ カレントレビュー26 分子マシンの 科学* (化学同人), pp. 48-54.
- [3] **古寺哲幸** (2016). 分子の動きを見る. **天 然物の化学 魅力と展望** (東京化学同人), 158-163.
- [4] Uchihashi, T., <u>Kodera, N.,</u> and Ando, T. (2015). High-speed Atomic Force Microscopy. *In Noncontact Atomic Force Microscopy*, S. Moprita, F.J. Giessibl, E. Meyer, and R. Wiesendanger, eds. (Springer), pp. 481-518.

# 〔産業財産権〕

○出願状況(計3件)

名称:走査型プローブ顕微鏡

発明者:内橋貴之、柴田幹大、古寺哲幸 権利者:同上 種類:特許 番号:特願 2016-234584 出願年月日:2016 年 12 月 1 日 国内外の別:国内

名称:昇温ホルダおよびプローブ顕微鏡 発明者:内橋貴之、足立慧、**古寺哲幸** 権利者:同上 種類:特許 番号:特願 2016-233494 出願年月日:2016 年 11 月 30 日 国内外の別: 国内

名称:チャンバーアレイの製造方法 発明者:<u>古寺哲幸、</u>豊田貴大、内橋貴之 権利者:同上 種類:特許 番号:特願 2016-232100 出願年月日:2016 年 11 月 30 日 国内外の別: 国内

# 〔その他〕

- ホームページ等 [1] 金沢大学生物物理学研究室: <u>http://biophys.w3.kanazawa-u.ac.jp/index.ht</u> m
- [2] 金沢大学研究者情報(古寺哲幸): <u>http://ridb.kanazawa-u.ac.jp/public/detail.ph</u> <u>p?id=3403&page=1&search=1&keyword=</u> <u>%E5%8F%A4%E5%AF%BA%E5%93%B</u> <u>2%E5%B9%B8&andor=AND&tgt1=1&tgt</u> <u>2=&tgt3=&tgt4=</u>

#### アウトリーチ等

以下の活動を通して、科学の面白み・醍醐味 を啓蒙する活動を行った。

- [1] 第6回 WPI サイエンスシンポジウム 「『未来』をはじめる」(2018年2月11 日@日本科学未来館)…小学生低学年から大人に向けて、原子間力顕微鏡の原理の説明と実演。顕微鏡の模型にも触れてもらい、計測原理を体験してもらった。
- [2] 金沢大学「キャンパスビジット」(2017 年8月7日)…高校生に向けて、AFMの 原理説明と実演。
- [3] 金沢大学「理学の広場」(2016 年 8 月 8
   日)…高校生に向けて、高速 AFM の原 理説明と DNA 観察の実演。

## 6.研究組織

(1)研究代表者
 古寺 哲幸(KODERA, Noriyuki)
 金沢大学・新学術創成研究機構・ナノ生命
 科学研究所・教授
 研究者番号: 30584635